

ABSTRACT

β -Thalassemia is an autosomal recessive inherited red blood cell disorder, a problem that often occurs in cases throughout the world, especially in the 'Thalassemia belt' area. β -Thalassemia is caused by a defect in the β -globin gene due to reduced or absent synthesis of the β -globin chain. This leads to mild or severe symptoms with certain classifications such as dependence on blood transfusions and iron chelating drugs and physical characteristics that cause complications in several other organs. Genetic modifiers is an opportunity in the future for the transition of therapy more specifically to people with thalassemia, initiation of progress and clinical trials that are widely triggered there are several candidate genes, one of which is polymorphisms in the KLF1 gene. The polymorphisms at the KLF1 were identified the nucleotide positions of c.325C>T and c.304C>T, this may be associated with an increase in HbF levels which in turn can decrease the severity of symptoms in β -Thalassemia. This study is aimed to identify KLF1 polymorphisms and study their effect on HbF levels and disease severity in β -Thalassemia patients in Bandung, West Java. Disease severity in this study are presented as level of Haemoglobin (Hb) and frequency of blood transfusion. Forty two DNA samples of patients with β -thalassemia major and intermedia stored in Pusat Studi Genetik Medis, Faculty of Medicine, Universitas Padjadjaran were used in this study. All exons of KLF1 were amplified and mutation analysis was performed by using Sanger Sequencing. The polymorphisms that were identified were rs117351327 and rs2072597 in nine subjects with MAF values of 0.047 and 0.0059 respectively. In this study we showed that there was no significant difference in HbF levels between β -thalassemia patients with and without KLF1 polymorphisms. And there is no association of KLF1 polymorphism with HbF levels, Hb levels and frequency of blood transfusions in patients with β -thalassemia with and without KLF1 polymorphisms. Found Polymorphism KLF1 RS2072597 and RS117351327 with changes in nucleotides C.325C> T and C.304C> T or (P.Pro109SER and P.Ser102Pro) with a MAF value of 0.047 at RS117351327 and 0.059 in RS2072597. There is no significant difference in HbF levels between people with β -thalassemia and and without KLF1 polymorphism. In the association value there is no significant difference in KLF1 polymorphism with HbF levels in people with β -thalassemia. And at the difference in the HB level and the frequency of blood transfusion in people with β -thalassemia with and without polymorphism KLF1 there is no significant difference.

Key Words : β -Thalassemia, KLF1 polymorphism, HbF level

ABSTRAK

β -Thalassemia adalah kelainan sel darah merah yang diturunkan secara autosomal resesif, merupakan masalah yang sering terjadi pada kasus di seluruh dunia khususnya pada daerah sabuk Thalassemia. β -Thalassemia disebabkan oleh defek pada gen β -globin karena kurangnya atau tidak adanya sintesis pada rantai β -globin. Hal tersebut mengarah pada ringan atau beratnya gejala dengan klasifikasi tertentu seperti ketergantungan transfusi darah dan obat-obat klasifikasi besi serta ciri fisik yang menyebabkan komplikasi pada beberapa organ lainnya. *Genetic modifier* merupakan peluang di masa yang akan mendatang untuk peralihan terapi secara lebih spesifik terhadap penyandang thalassemia, inisiasi untuk kemajuan dan uji klinis yang banyak dicetuskan terdapat beberapa kandidat gen salah satunya seperti polimorfisme pada gen *KLF1*. Polimorfisme pada gen *KLF1* terdapat pada perubahan posisi nukleotida c.325C>T dan c.304C>T. Penelitian ini bertujuan untuk mempelajari efek perubahan yang terdapat pada polimorfisme *KLF1* pada kadar HbF pada pasien β -Thalassemia di Bandung Jawa Barat. Bahan dan Metode pada studi ini merupakan bahan biologis terimpan (BBT) pada pasien β -Thalassemia mayor dan intermedia dengan jumlah 42 sampel yang didapatkan dari Departemen Ilmu Kesehatan Anak RSUP. Dr. Hasan Sadikin Bandung dengan waktu penggerjaan dari Agustus 2021 hingga November 2021 di Laboratorium Genetika Molekuler Fakultas Kedokteran, Universitas Padjadjaran. Sanger Sequencing digunakan untuk mendekripsi polimorfisme pada *KLF1*. Polimorfisme yang muncul teridentifikasi polimorfisme rs117351327 dan rs2072597 dengan 9 subjek dengan masing masing nilai MAF yaitu 0,047 dan 0,0059 jika dibandingkan dengan MAF pada populasi Asia yaitu nilai MAF pada rs117351327 yaitu 0,071 dan pada polimorfisme rs2072597 yaitu 0,375. Tidak terdapat perbedaan yang signifikan kadar HbF antara penyandang β -Thalassemia dengan dan tanpa polimorfisme *KLF1*. Serta tidak terdapat asosiasi polimorfisme *KLF1* dengan kadar HbF, level Hb dan frekuensi transfusi darah pada penyandang pada penyandang β -Thalassemia dengan dan tanpa polimorfisme *KLF1*.

Kata Kunci : β -Thalassemia, Polimorfisme *KLF1*, Kadar HbF